

ハイスループット計算ツール moller の紹介

CCMSハンズオン: moller講習会

2024年10月18日 @物性研A614+Zoom

東京大学物性研究所 附属物質設計評価施設

ソフトウェア開発・高度化チーム

Outline

- ▶ スパコンでプログラムを実行する
 - ▶ バッチジョブ実行
- ▶ ジョブをまとめて実行する: moller
 - ▶ moller とは？
 - ▶ moller を使う
 - ▶ moller をインストールする
- ▶ HTP-tools (moller+cif2x) 紹介

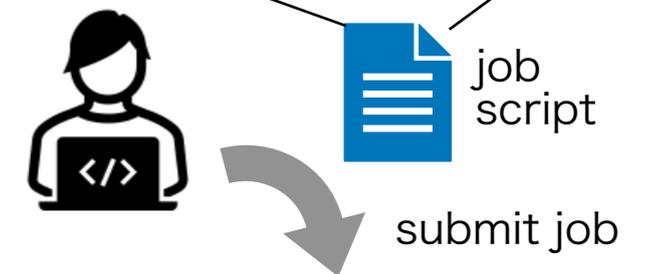
スパコンでプログラムを実行する

- ▶ スパコンでプログラムを実行するには:
 - ▶ 通常はバッチジョブ形式で実行する
 - ▶ ユーザはノード数・実行時間などをリクエスト
↓
ジョブ管理システムがリソースを割り当て
 - ▶ リソース量や実行内容をジョブスクリプトに記述
 - ▶ シェルスクリプト形式
 - ▶ コメント部分にジョブスケジューラへの指示を記載
- ▶ ジョブクラス
 - ▶ 最大ノード数や実行時間などで区分(システムによる)

```
#!/bin/sh
#SBATCH -p i8cpu
#SBATCH -N 2
#SBATCH -n 8
#SBATCH -c 32
#SBATCH -t 00:10:00

ulimit -s unlimited

srun HPhi -s stan.in
```



スパコンでプログラムを実行する

物性研システムB (ohtaka)に用意されている
ジョブクラス(キュー/パーティション)

(例) **F** **4** **cpu**

F	標準	(24時間まで)
B	低優先度	(12時間まで)
L	長時間	(120時間まで)

cpu	CPUノード
fat	FATノード (大メモリ)

その他に

i8cpu インタラクティブ・デバッグ (CPUノード) (30分まで)
i1fat 同上 (FATノード)

利用可能なノード数
CPUノード

1	1ノード
4	2~4ノード
16	5~16ノード
36	17~36ノード
72	72ノード
144	144ノード

FATノード

2	1~2ノード
---	--------

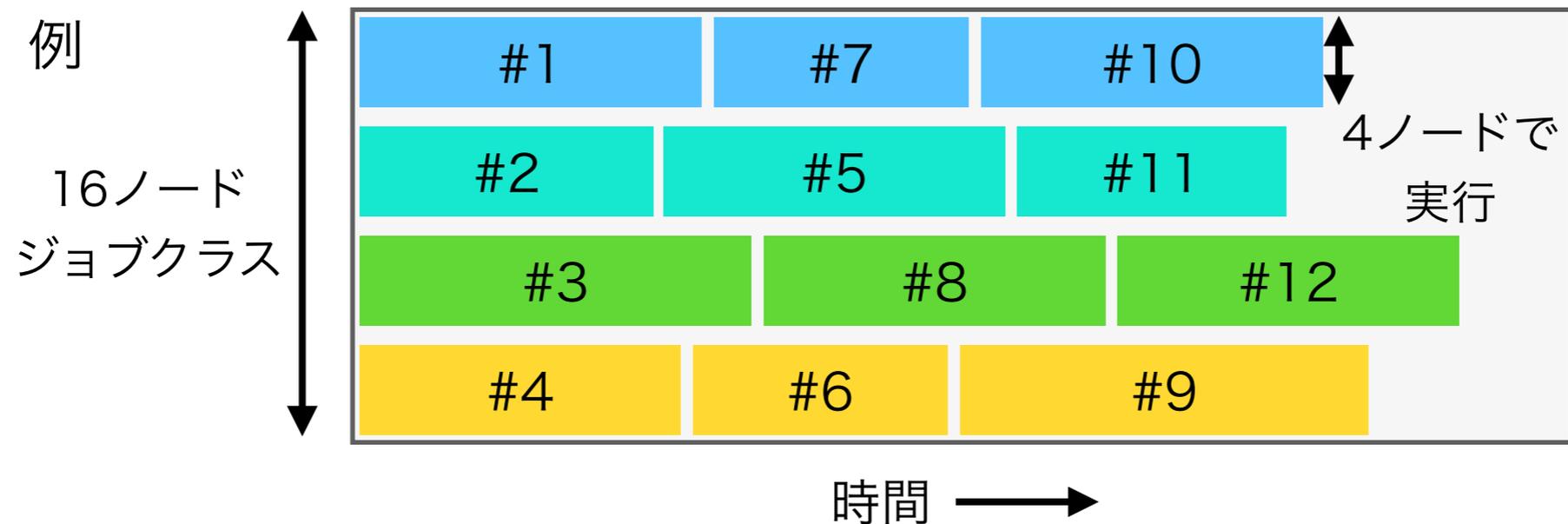
ジョブをまとめて実行する

パラメータサーチなど、条件を変えながら
同じ計算を大量に実行する場合に
スパコンを効率よく使いたい

多数のジョブを
1つの大型のジョブクラスで
一括して実行 (バルク実行)

ジョブをまとめて実行する

- ▶ 例: 4ノードを使ったMPIプログラムの実行を、12通りの入力データに対して行う
 - A. 小型のジョブクラス(4ノード・クラス)で個別のバッチジョブとして実行する
 - B. 大型のジョブクラス (例: 16ノード・クラス) のバッチジョブの中にジョブを束ねて実行する (バルク実行)



ジョブをまとめて実行する

- ▶ メリット:

- ▶ ノード内の複数コアを効率よく使える
- ▶ 細かいジョブを大量に投入するとジョブスケジューラの負荷・オーバーヘッドが大きい → 1つのバッチジョブにまとめて実行
- ▶ 大型のジョブクラスは比較的空いている(こともある)

- ▶ デメリット:

- ▶ バルク実行のやり方はプラットフォーム依存
- ▶ → プラットフォーム依存性を隠蔽する汎用ツールを作成

ジョブをまとめて実行する

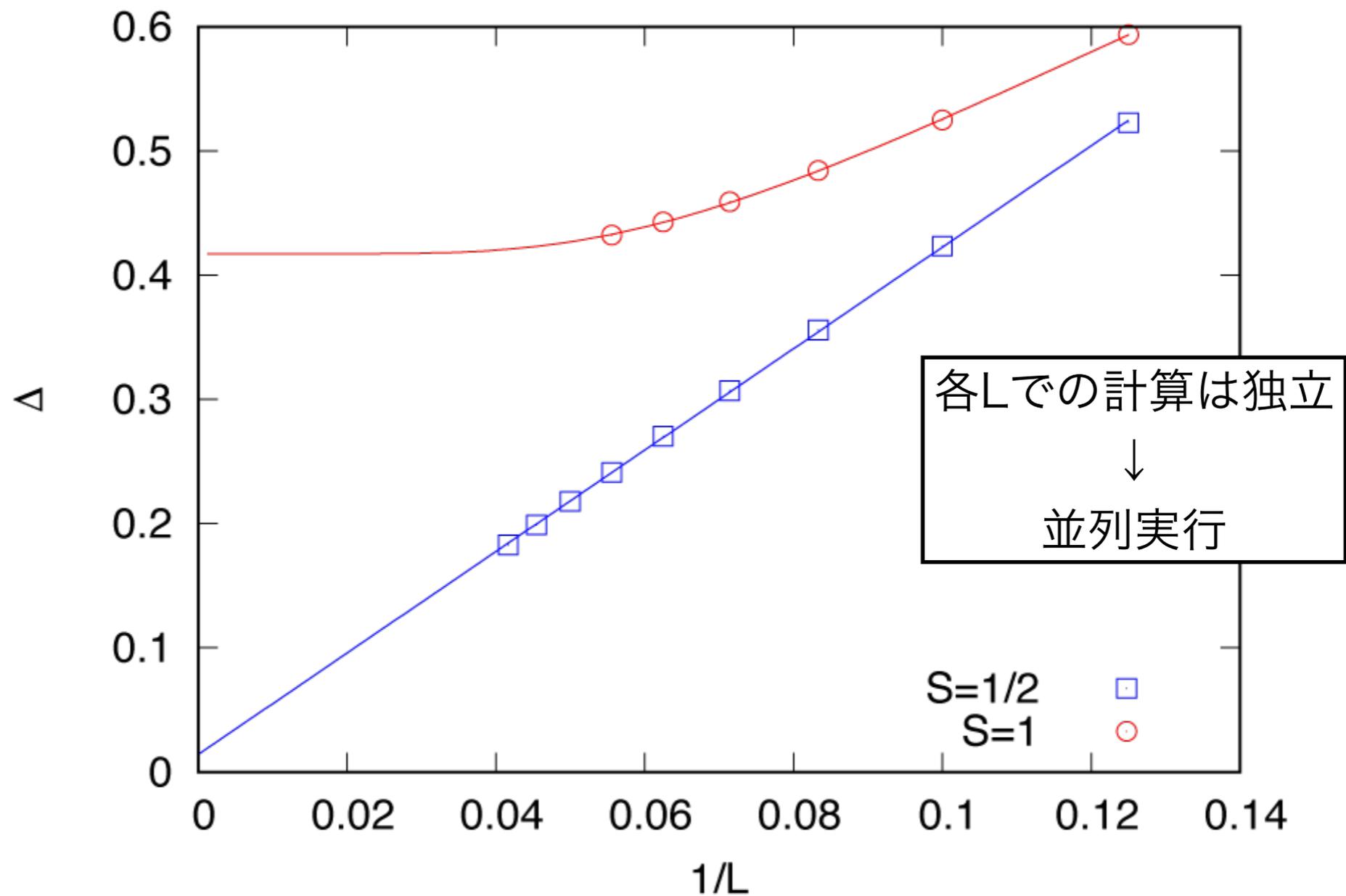
- ▶ **moller**とは、

「スパコン上でプログラムをバルク実行する
ジョブスクリプト」を生成するツール

- ▶ スパコンのフロントエンド上、またはオフラインで実行する
- ▶ YAML形式(構造化テキスト)でジョブの内容を記述
- ▶ バルク実行に関するプラットフォーム依存な詳細を隠蔽
- ▶ マルチプラットフォーム (現在は物性研スパコン ohtaka, kugui に対応)

mollerを使う

- ▶ 例として、厳密対角化ソフトウェア HΦ を用い、 $S=1/2$ 反強磁性ハイゼンベルク鎖の励起ギャップ Δ のシステムサイズ L 依存性を評価する。



mollerを使う

1. mollerの入力ファイル input.yaml を用意する

```
name: HPhi
description: AFH chain

platform:
  system: ohtaka
  queue: i8cpu
  node: 8
  elapsed: 00:30:00

prologue:
  code: |
    source /home/issp/materiapps/
oneapi_compiler_classic-2023.0.0--
openmpi-4.1.5/hphi/hphivars.sh

    ulimit -s unlimited
    export KMP_STACKSIZE=512m
    export UCX_TLS='self,sm,ud'

jobs:
  hphi:
    description: run HPhi
    node: [2,8,32]
    run: |
      srun HPhi -s stan.in
```

input.yaml

mollerを使う

1. mollerの入力ファイル input.yaml を用意する

```
name: HPhi
description: AFH chain

platform:
  system: ohtaka
  queue: i8cpu
  node: 8
  elapsed: 00:30:00

prologue:
  code: |
    source /home/issp/materiapps/
    oneapi_compiler_classic-2023.0.0--
    openmpi-4.1.5/hphi/hphivars.sh

    ulimit -s unlimited
    export KMP_STACKSIZE=512m
    export UCX_TLS='self,sm,ud'

jobs:
  hphi:
    description: run HPhi
    node: [2, 8, 32]
    run: |
      srun HPhi -s stan.in
```

input.yaml

バッチジョブの設定

プラットフォーム
固有の設定

各タスクの並列度

```
#!/bin/sh
#SBATCH -p i8cpu
#SBATCH -N 2
#SBATCH -n 8
#SBATCH -c 32
#SBATCH -t 00:10:00

source /home/issp/materiapps/
oneapi_compiler_classic-2023.0.0--
openmpi-4.1.5/hphi/hphivars.sh

ulimit -s unlimited
export KMP_STACKSIZE=512m
export UCX_TLS='self,sm,ud'

srun HPhi -s stan.in
```

single版の job.sh

計算内容

mollerを使う

2. moller の実行環境をセットアップする

```
$ source /home/issp/materiapps/  
oneapi_compiler_classic-2023.0.0--openmpi-4.1.5/moller/  
mollervars.sh
```

実際は1行

(物性研システムB(ohtaka)の場合)

3. moller を実行してジョブスクリプトを生成する

```
$ moller input.yaml -o job.sh
```

- ▶ ジョブスクリプト job.sh が生成される

4. リストファイルを作成する

- ▶ パラメータセットごとに個別のディレクトリを用意する
- ▶ ディレクトリのリスト list.dat を作成する

L_8 L_10 L_12 L_14 L_16 L_18 L_20 L_22 L_24	list.dat
---	----------

mollerを使う

ジョブ投入コマンドは
システムによる

5. バッチジョブを投入する

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

6. 各ジョブのステータスは

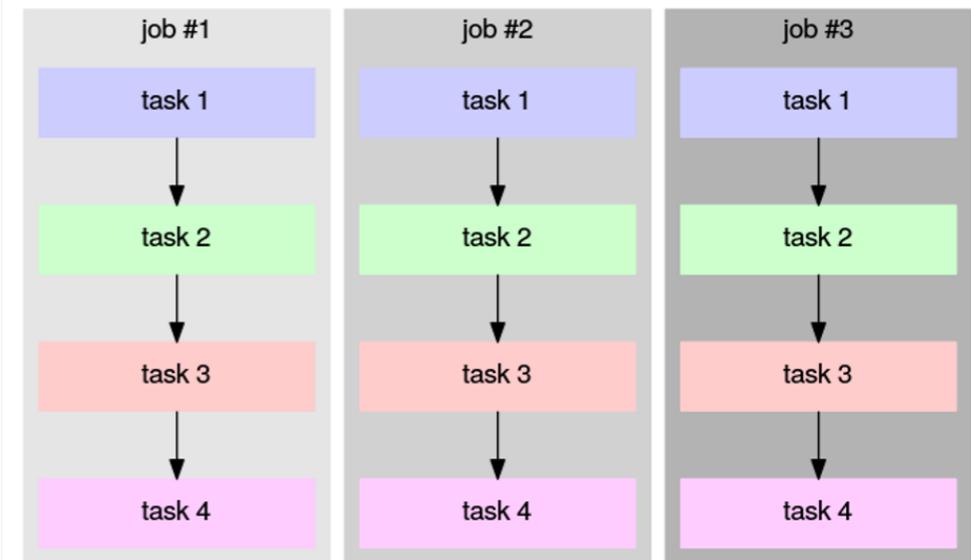
```
$ moller_status input.yaml list.dat
```

で確認できる。

job	hphi
L_8	○
L_10	○
L_12	○
L_14	○
L_16	○
L_18	○
L_20	○
L_22	○
L_24	○

mollerの機能

- ▶ 一つのパラメータセットに対する計算("ジョブ")を複数の"タスク"で構成できる
 - ▶ "タスク"ごとにジョブを並列して実行する
 - ▶ "逐次タスク"(ジョブによらない処理)を指定可
 - ▶ 前のタスクが失敗した場合は、後続のタスクは実行されない
(ジョブごと。他のジョブは影響を受けない)



mollerの機能

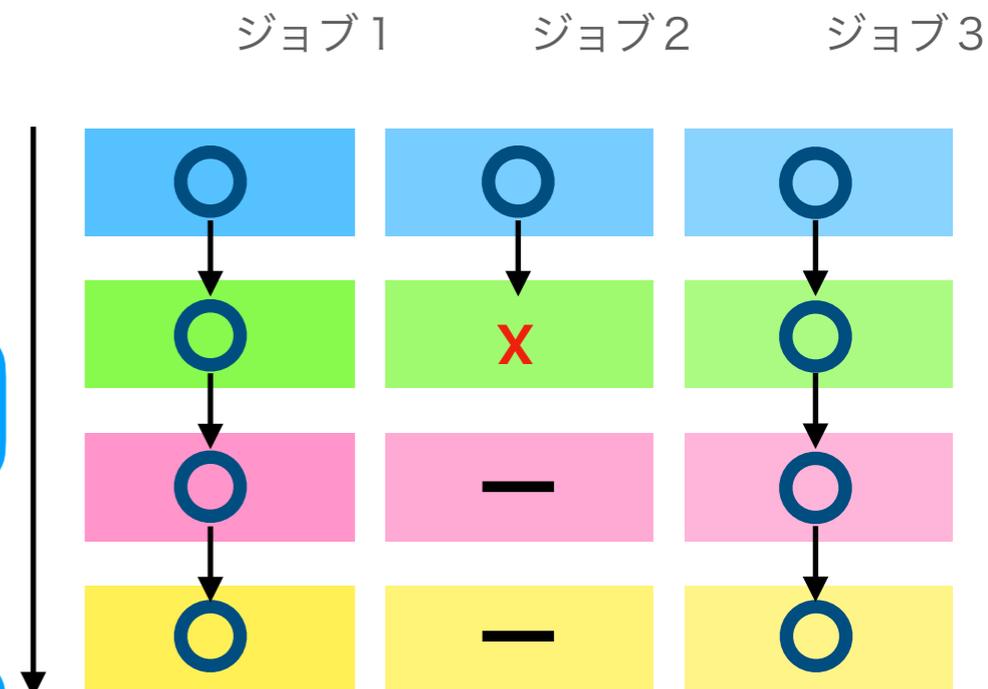
▶ レジューム・リトライ

- ▶ バッチジョブが途中で終了した場合、未処理のタスクから実行を継続する(レジューム)

```
$ sbatch job.sh list.dat
```

- ▶ 失敗したタスクを再実行する(リトライ)

```
$ sbatch job.sh --retry list.dat
```



mollerをインストールする

- ▶ moller はオープンソース・ソフトウェアとして公開
 - ▶ GitHub リポジトリから取得・インストールできる

```
$ git clone https://github.com/issp-center-dev/moller.git  
$ cd moller  
$ python3 -m pip install .
```

- ▶ `system = default` を指定すると、一般のクラスタ計算機(ジョブスケジューラなし)で動作するスクリプトを生成

mollerをインストールする

- ▶ 現状のプラットフォーム対応状況
 - ▶ ジョブスケジューラ:
 - ▶ SLURM, PBS系 (PBS Pro, Torque), NQSV
 - ▶ ToDo: Fujitsu, (SGE)
 - ▶ MPIランタイム
 - ▶ OpenMPI, Intel MPI
 - ▶ ToDo: MPICH, MVAPICH, etc
 - ▶ (アクセラレータは別途対応が必要)
- ▶ 対応プラットフォームを拡充予定
 - ▶ 国内の主要なスパコンサイトへの展開

対応プラットフォーム

- ▶ 物性研究所
 - ▶ システムB ohtaka (SLURM)
 - ▶ システムC kugui (PBS Pro)
- ▶ クラスタ計算機 (Torque)
(対応中)
- ▶ 東北大 AOBA-S/A/B (NQSV)

プリインストール
済み

mollerの情報まとめ

- ▶ moller ウェブサイト
 - ▶ 物性研ソフトウェア開発高度化ウェブサイト
<https://www.pasums.issp.u-tokyo.ac.jp/http-tools/>
- ▶ ソースコード・リポジトリ
 - ▶ GitHubリポジトリ
<https://github.com/issp-center-dev/moller>
- ▶ オンライン・マニュアル
 - ▶ <https://www.pasums.issp.u-tokyo.ac.jp/http-tools/doc/manual/>
- ▶ サンプル・チュートリアル
 - ▶ 物性研データリポジトリ: Moller Gallery
<https://datarepo.mdcl.issp.u-tokyo.ac.jp/repo/38>
- ▶ 問い合わせ先
 - ▶ GitHub Issue <https://github.com/issp-center-dev/moller/issues>
 - ▶ HTP-tools開発グループ http-tools-dev@issp.u-tokyo.ac.jp

HTP-tools (cif2x + moller)

機械学習を活用した物性予測や物質設計(マテリアルズ・インフォマティクス)

- ▶ 機械学習の精度は適切な教師データの準備に大きく依存
- ▶ 迅速に大量の教師データを生成するためのツールや環境を整備

大型計算機上での網羅的な第一原理計算の実行を支援するツールの開発

- ▶ High-ThroughPut (HTP) tools
 - ▶ 2023年度 物性研ソフトウェア開発高度化課題として実施
- ▶ 軽量のツールセット
 - ▶ 専用マシンや複雑なセットアップなしに、容易に目的のデータセットを構築できるようにする
- ▶ プロジェクトサイト
 - ▶ <https://www.pasums.issp.u-tokyo.ac.jp/http-tools/>

HTP-toolsの構成

- ① 公開データベースから結晶構造データを検索・一括取得 (getcif) public
- ② 第一原理計算ソフトウェアの入力データを生成 (cif2x) public
- ③ データベース構築 (x2db)
- ④ スパコンやクラスタ計算機で網羅計算の実行を管理 (moller) public

